

بررسی شیوع کوکسیلا بورنی در انسان، میزبانان حیوانی و کنه‌های سخت در غرب استان مازندران در سال‌های ۱۳۸۳-۸۴

دکتر حسن بشیری بُد^۱، مهندس نورینا رهبریان^{۲و۳}، دکتر گیتا اسلامی^۳، دکتر بهرام کاظمی^{۴و۵}، ابراهیم جنت‌شریف^۱، دکتر مهناز محمودی‌راد^۲، منیژه ایرانفر^۴، سهاره بشیری بُد^۵

^۱ گروه انگلشناسی و قارچ‌شناسی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی

^۲ مرکز تحقیقات بیولوژی سلولی و ملکولی، دانشکده پزشکی دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی

^۳ گروه میکروبیولوژی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی

^۴ حوزه معاونت پژوهشی دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی

^۵ دانشکده علوم، دانشگاه شهید بهشتی

چکیده

سابقه و هدف: اهمیت بیماری‌های مشترک بین انسان و دام (زئونوزها) و تأثیر این بیماری‌ها بر سلامت و بهداشت افراد جامعه، بر کسی پوشیده نیست. از جمله این بیماری‌ها، آلوگی با کوکسیلا بورنی و ابتلای انسان به تب کیو می‌باشد. بنا به اهمیت موضوع و نبود آمار مستند در جامعه ایرانی، این مطالعه انجام شد.

روش بررسی: در این مطالعه توصیفی، برای بررسی شیوع کوکسیلا بورنی در انسان، میزان حیوانی و کنه‌های سخت، نسبت به جمع‌آوری نمونه‌ها از مناطق منتخب غرب استان مازندران اقدام گردید. نمونه‌های خون اخذشده از انسان و میزان حیوانی به روش PCR، بررسی شدند. کنه‌های سخت پس از صید، مورد شناسایی قرار گرفتند و جنس، گونه و مرحله رشد آنها تعیین و با استفاده از تکنیک‌های رایج، DNA نمونه‌ها استخراج گردید. برای کوکسیلا بورنی، ابتدا بر روی هر نمونه، تکنیک PCR و بالاصله، تکنیک Nested-PCR انجام گرفت.

نتیجه‌گیری: با توجه به نتایج این مطالعه می‌توان نتیجه‌گیری کرد که در شرایط کنونی، غرب استان مازندران از وجود کانون‌های اپیدمیک، اندمیک، اپی‌زوتیک و اندزوتیک کوکسیلابورتی پاک است. ضمن اینکه باید توجه داشت که چرخه‌های اندزوتیک پاتوژنی چون کوکسیلابورتی، در میزان مخزن در نواحی مختلف، متفاوت بوده، و بر اساس آمارها نشان‌دهنده تفاوت‌های فاحش در میزان شیوع کوکسیلا در مناطق جغرافیایی مختلف هستند.

وازگان کلیدی: کوکسیلا بورنی؛ انسان؛ میزان حیوانی؛ مخزن بیماری؛ کنه سخت؛ مازندران، ایران.

مقدمه

کوکسیلا بورنی، عامل یک باکتریوزیس مشترک بین انسان و دام است. بیماری حاصل از آلدگی با آن، در انسان، تب کیو (Coxiellosis) و در حیوانات، کوکسیلوزیس (Query Fever)

*نویسنده مسئول مکاتبات: مهندس نورینا رحبریان؛ تهران، اوین، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی،
دانشکده پزشکی، مرکز تحقیقات بیولوژی سلولی و مکولی؛ پست الکترونیک:
n.rahbbarian@cmrcbr.org
تاریخ دریافت مقاله: ۱۳۸۶/۱۲/۷
تاریخ پذیرش مقاله: ۱۳۸۷/۴/۸

می‌تواند در تصمیم‌گیری‌های مدیران بهداشتی منطقه نیز مؤثر باشد.

مواد و روش‌ها

تعیین محل نمونه‌گیری: روستاهای شهرستان‌های کلاردشت، تنکابن و رامسر برای انجام این مطالعه انتخاب شدند. پس از محاسبه حجم نمونه با استفاده از فرمول زیر، نمونه‌ها به روش نمونه‌گیری تصادفی ساده انتخاب شدند:

$$n = \frac{p \cdot q(Z)^2}{d^2}$$

برای انجام این مطالعه، در دو بخش نمونه‌گیری انجام شد: ۱) نمونه‌گیری خون از افرادی که با دام سروکار داشتند (دامپرشک، دامدار، قصاب، چوپان، سلاخ، دباغ و ...) و لذا در معرض خطر آلدگی با کوکسیلا بورنی بودند، انجام شد. افراد مورد بررسی، در هنگام مصاحبه، تاریخچه‌ای از علایم بیماری تب کیو یا عالیمی همچون تب شدید، سردرد و پنومونی نامشخص در حال و گذشته را اظهار ننمودند. از افراد مورد بررسی، پس از کسب رضایت آنان، خون‌گیری از خون ورید ساعد به عمل آمد.

۲) از کنه‌های موجود در مناطق حضور دام و حیوانات وحشی، نمونه‌گیری به عمل آمد. به این منظور، کنه‌ها، با استفاده از پنس نوک تیز، از روی پوست بدن حیوانات مستقر در مکان‌های حضور دام (دامداری‌ها و ...) برداشته شدند. همچنین با گسترانیدن پتوی سفید کنه‌گیری بر سطح پوشش گیاهی محل استقرار حیوانات، نسبت به صید و جمع‌آوری کنه‌ها اقدام شد. به این ترتیب، ۲۴۱۷ عدد کنه سخت از روی بدن حیوانات (۱۶۴۴ کنه) و از طبیعت (۷۷۳ کنه) جمع‌آوری گردید.

همچنین ۴۴۷ نمونه خون، از ۱۲۰ نفر انسان، ۱۳۵ رأس گوسفند، ۱۰۲ رأس گاو، ۶۰ رأس بز، ۲۰ قلاوه سگ و لگرد، ۱۰ عدد جوجه تیغی، تهیه و مورد بررسی قرار گرفت.

بررسی آلدگی نمونه‌ها: طبق جدول زمان‌بندی و منطقه‌بندی شده جهت نمونه‌های مربوط به کنه‌گیری و معلوم‌نمودن مراحل رشد کنه‌های سخت، و خون‌خورده و یا خون‌نخورده بودن آنان، کل پیکر کنه‌ها و نمونه‌های خون، تا اتمام مراحل نمونه‌گیری، در دمای ۲۵-۲۵ درجه سانتی‌گراد فریز و نگهداری شدند. سپس، کنه‌ها را هموژن کرده، با استفاده از تکنیک‌های رایج و روش جوشاندن و فتل کلروفرم، DNA و RNA نمونه‌های کنه‌ها و همچنین نمونه‌های خونی، استخراج

در حیوانات، سقط جنین، کاهش وزن بدن و کم شدن میزان شیردهی، از نشانه‌های بارز کوکسیلوزیس است (۳). موارد بیماری از تمام جهان، به جز قطب شمال و نیوزیلند، گزارش شده و دامنه انتشار آن، همچنان رو به گسترش است. مهمترین مخزن‌های طبیعی کوکسیلا بورنی برای انسان عبارتند از: احشام (گوسفند، بز و گاو)، سگ، گربه و پستانداران وحشی کوچک و بزرگ (۴).

کنه‌های سخت (Ixodidae)، ناقلان اولیه کوکسیلا بورنی در میان حیوانات هستند و گونه‌هایی از جنس‌های ایکسوسدس (Ixodes)، درماستنتور (Dermacentor)، همافیزالیس (Haemaphysalis)، ربی‌سفالوس (Rhipicephalus)، هیالوما (Hyalomma) و ...، پس از تغذیه از خون میزبانان آلدده، قادر به انتقال کوکسیلا از راه مدفع خود می‌باشند (۳). کنه‌های سخت، در عین حال به عنوان مخزن (Reservoir) کوکسیلا بورنی نیز به حساب آمده و استمرار حضور درازمدت این میکروارگانیزم را در طبیعت، به لحاظ انتقال از یک مرحله به مرحله دیگر رشد (Transstadial transmission) و از طریق تخم (Transovarian transmission) به نسل بعد، تضمین می‌کنند. در واقع، پاتوژن‌هایی چون جمله کوکسیلا بورنی، ممکن است باعث آلدگی مرحله‌های مختلف فرآیند رشد کنه‌های ناقل در پی خون‌خواری می‌شوند. همچنین، حضور همزمان دو و یا حتی سه پاتوژن در بدن برخی کنه‌های سخت (Coinfection) و به دنبال آن، انتقال همزمان پاتوژن‌های مختلف به انسان نیز امکان‌پذیر می‌باشد (۵). کنه‌ها موجب آلدگی حیواناتی چون نشخوارکنندگان، تکسمهای، گوشتخواران، پرنده‌گان و خزندگان، به کوکسیلا می‌شوند (۶ و ۷).

به علت اهمیت کوکسیلا بورنی به عنوان عامل یک بیماری باکتریایی و مشترک بین انسان و دام (Anthropozoonosis) و با توجه به فقدان بررسی دقیق، معتبر، جامع و قابل استناد و در اختیار نداشتن آمار از درصد آلدگی به کوکسیلا بورنی در کشورمان از یک سو، و مقاومت بسیار زیاد این باکتری در محیط از سوی دیگر، درصد برآمدیم تا با یافتن کانون‌های طبیعی آلدده به کوکسیلا و تعیین میزان آلدگی در انسان، میزبانان حیوانی و کنه‌های سخت در منطقه‌ای از ایران که دارای آب و هوای مناسب جهت زندگی و رشد کنه‌ها است، سهمی در تأمین اطلاعات مستند بر اساس پژوهش‌های علمی به منظور تدوین برنامه‌های خدمات بهداشتی، احراز نماییم. از سوی دیگر، مشخص شدن کانون‌های طبیعی آلدده به کوکسیلا

بحث

نتایج منفی به دست آمده در این مطالعه، با گزارش علمی Literak (۸) شباهت دارد. در طی ۵ سال منتهی به ۱۹۹۶ میلادی، هیچ مورد عفونت انسانی با کوکسیلا را در جمهوری های چک و اسلواکی مشاهده نکرده بود. لیکن Hirai (۹) در گزارش خود، از رشد مثبت موارد آلودگی انسانی به کوکسیلا بورنوتی در ژاپن در طی سال های اخیر خبر می دهد. Kato و همکارانش (۱۰) در بررسی علمی خود در سال ۱۹۹۹ در ژاپن، به آلودگی ۳۳ درصدی افراد مورد آزمایش به این میکروارگانیزم اشاره می کنند. همچنین Guo و همکارانش (۱۱) توانسته اند در سال ۱۹۹۸، آلودگی به کوکسیلا را در ۴/۳٪ از دامپروران که در داکوتای شمالی (ایالات متحده آمریکا) به پرورش گوسفند استغال داشته اند، تشخیص دهنند. به این ترتیب، و با عنایت به متفاوت بودن درصد موارد آلودگی انسانی در جوامع مختلف، عدم مشاهده موارد مثبت انسانی در غرب استان مازندران در بررسی انجام یافته توسط ما نمی تواند مسئله ای به دور از ذهن و انتظار تلقی شود؛ ضمن اینکه مطالعه حاضر برای اولین بار در کشور بر روی انسان صورت پذیرفته است. عدم ابتلای افراد مورد بررسی در زمان مطالعه و همچنین در گذشته به تب کیو و یا عدم بروز نشانه های بالینی خاص و مرتبط با تب کیو در آنان در گذشته نیز با نتایج به دست آمده از این مطالعه، انطباق داشته و با آن همسو هستند. در این پژوهش، برای بررسی شیوع آلودگی به کوکسیلا بورنوتی در میزبانان حیوانی، آن دسته از حیوانات اهلی برای خون گیری انتخاب شدند که همگی آلوده به کنه در شماری اندک و یا زیاد بودند؛ تا شاید بتوان آلودگی به کوکسیلا را در بدن میزبان و یا کنه های سخت مهاجم، ردیابی نمود. از سوی دیگر، همه حیوانات وحشی خون گیری شده در مطالعه حاضر و در چارچوب امکانات و مقدورات شامل سگ و جوجه تیغی، عاری از آلودگی به کنه های سخت بودند. در این بخش نیز کوکسیلا بورنوتی در هیچ یک از نمونه های خون حیوانات تشخیص داده نشد. اما طبعاً کوکسیلا بورنوتی در کانون های طبیعی اپیزوتیک (Epizootic) و یا انزوتیک (Enzootic) از طیف میزبانی گسترده و متنوعی برخوردار است. مقایسه دست آورده مطالعه ما با کارهای تحقیقاتی قبلی محققان در ایران و کشورهای دیگر نیز تفاوت های آشکار و یا تشابه های نسبی را بیان می کند.

پی جویی های Giroud و همکار (۱۲) در سال ۱۹۵۲ میلادی که به نظر می رسد نخستین از نوع خود در ایران باشد و

شد. سپس، با تکنیک Nested-PCR و با استفاده از ۲ پرایمر Qfev 2F و Qfev 2R برای مرحله اول، و ۲ پرایمر IF و Qfev IR برای مرحله دوم، توالی ژن مورد نظر در باکتری کوکسیلا بورنوتی تکثیر گردید (۷).

یافته ها

از مجموع ۱۰۵۲ نمونه مورد بررسی، یعنی ۴۴۷ نمونه خون (از ۱۲۰ انسان، ۱۳۵ رأس گوسفند، ۱۰۲ رأس گاو، ۶ رأس بز، ۲۰ قلاده سگ، ۱۰ عدد جوجه تیغی) و ۶۰۵ عدد کنه از ۵ گونه متفاوت از کنه های سخت (که بطور تصادفی از بین ۲۴۱۷ عدد کنه صید شده انتخاب شده بودند)، هیچ مورد مثبت نسبت به کوکسیلا بورنوتی در مناطق منتخب غرب استان مازندران مشاهده نشد. جداول ۱ الی ۳، توزیع گونه و تعداد کنه های سخت صید و شناسایی شده، و شمار کنه ها را نشان می دهند.

جدول ۱) گونه و تعداد کنه های سخت صید و شناسایی شده در غرب استان
مازندران

گونه کنه	منطقه	کلاردهشت	تنکابن	رامسر	جمع	درصد
Ixodes ricinus		۶۵۱			۶۵۱	۷۲
Hyalomma anatomicum anatomicum		۱۰۱			۱۰۱	۱۵
Boophilus annulatus		۱۰			۱۰	۹
Haemaphysalis sulcata		۵۹			۵۹	۳
Dermacentor marginatus		۰			۰	۱
جمع کل		۸۲۱	۷۷۸	۸۱۸	۲۴۱۷	۱۰۰

جدول ۲) شمار کنه های سخت جمع آوری شده از بدن حیوانات اهلی (خون خورده) و از طبیعت (خون نخورده) در غرب مازندران

منطقه	کنه	کلاردهشت	تنکابن	رامسر	جمع
کنه های جمع آوری شده از حیوان		۵۳۴	۵۴۹	۵۶۱	۱۶۴۴
کنه های جمع آوری شده از طبیعت		۲۵۸	۲۴۹	۲۶۶	۷۳۳
جمع کل		۷۹۲	۸۹۸	۸۲۷	۲۴۱۷

جدول ۳) شمار کنه های انتخابی جهت انجام آزمون PCR به تفکیک منطقه مورد بررسی

منطقه	برداشت کنه	حيوانات اهلی	طبعیت	جمع
کلاردهشت		۹۹	۱۰۳	۲۰۲
تنکابن		۹۹	۹۹	۱۹۸
رامسر		۹۹	۱۰۶	۲۰۵
جمع کل		۲۹۷	۳۰۸	۶۰۵

بورنی در نرخ‌های متفاوت رسیده‌اند. در اینجا می‌توان به مطالعات McDiarmid و همکاران (۲۲) در سال ۲۰۰۰ در استرالیا که در ۳/۶٪ از جمعیت کنه سخت Amblyomma triguttatum و همکاران (۲۳) در Spyridaki و Lee در سال ۲۰۰۳ در قبرس که در ۱۰٪ از کنه‌های سخت و Lee و همکاران (۲۴) در سال ۲۰۰۴ در کره جنوبی که در ۲٪ از کنه‌های سخت، آلودگی به کوکسیلا بورنی را تشخیص داده‌اند و از کنه‌های آلوده به عنوان یکی از عناصر مؤثر در چرخه عفونت و انتشار کوکسیلا یاد کرده‌اند، اشاره نمود.

به این ترتیب، با توجه به نتایج به دست آمده در این پژوهش می‌توان چنین نتیجه‌گیری کرد که در شرایط کنونی، غرب استان مازندران (محدوه کلاردشت، تنکابن و رامسر) از وجود کانون‌های اپیدمیک، اندمیک، اپیزوتیک و انزوتیک کوکسیلا بورنی پاک است. شایان ذکر آن که به طور کلی چرخه‌های انزوتیک (بومی- حیوانی) هر پاتوژن، از جمله کوکسیلا بورنی، در میزان مخزن در نواحی مختلف، متفاوت و بر این اساس، آمارها نشان‌دهنده تفاوت‌های فاحش در میزان شیوع کوکسیلا در مناطق جغرافیایی مختلف می‌باشد.

لازم به یادآوری است که در نتیجه این مطالعه، برای اولین بار، گونه‌های کنه‌های سخت موجود در مناطق غرب استان مازندران نیز شناسایی و معرفی شدند (شامل *Ixodes ricinus*, *Boophilus anatolicum*, *Hyalomma anatolicum*, *Dermacentor Haemaphysalis sulcata annulatus marginatus*).

بسیری بُد و همکاران (۱۳) در سال ۱۹۷۶، به ترتیب حاکی از موارد مثبت آلودگی احشام به کوکسیلا در استان کرمانشاه و نیز در ۷ درصد گاو، ۳/۲ درصد گوسفند و ۱/۷ درصد بز در استان لرستان بوده است. Chen و همکاران (۱۴) در سال ۱۹۹۷ در منطقه‌ای واقع در کناره رودخانه Heilongjiang چین و Ibrahim (۱۵) در سال ۱۹۹۹ در جزیره جاوه اندونزی با هیچ مورد آلودگی جوندگان به کوکسیلا برخورد نداشته‌اند. در حالی که آلودگی به این پاتوژن در بررسی‌های To و همکارانش (۱۶) در سال ۲۰۰۰، در ۵/۱٪ از گاوها شیرده نگهداری شده در یک دامداری واقع در شهر Gifu ژاپن که دچار اختلال در باروری بوده‌اند، Rehacek (۱۷) در سال ۲۰۰۱ در ۱۲/۲٪ گوسفند، ۹/۷٪ بز و ۴/۴٪ گاو در مناطق جنوبی جمهوری چک و سرانجام Manilla و همکاران (۱۸) در سال ۲۰۰۲ در ۲۴٪ جوجه‌تیغی، ۱۷/۲٪ رت (Rat)، ۱۱/۱٪ شغال، ۱۰٪ گراز، ۶/۱٪ سگ و ۱۷٪ خفاش پراکنده در جنوب شرق ایتالیا به تشخیص رسیده است.

همانطور که گفته شد، نتیجه بررسی در مورد وجود کوکسیلا بورنی در ۶۰۵ کنه سخت خون‌خورده و خون‌نخورده جمع‌آوری شده از مناطق روستایی غرب مازندران منفی بود. مقایسه این دست‌آورده، در تشابه کامل با نتایج منفی حاصل از کارهای تحقیقی Bacellar و همکاران (۱۹) در سال ۱۹۹۱ در پرتغال، Rehacek و همکاران (۲۰) در سال ۱۹۹۳ در آلمان، Kruszewska و همکار (۲۱) در سال ۱۹۹۶ در لهستان بود که آلودگی به کوکسیلا بورنی را در هیچ یک از کنه‌های سخت صیدشده، تشخیص نداده‌اند؛ لیکن در تفاوت با پژوهش‌هایی است که به تشخیص آلودگی کنه‌های سخت به کوکسیلا

REFERENCES

- Schneeweiss U. Spezielle Mikrobiologie. Walter de Gruyter Verlag Berlin 2000; p:203-215.
- Topley & Wilson's Microbiology and microbial infections. Oxford University press New York 9th ed 1998; Vol 3, p:996-1006.
- Loeffler H. Q-Fieber. In: O Gsell, W Mohr (eds) Infektionskrankheiten. Springer Verlag Berlin 4th ed 1995; p:1012-43.
- Leggiardo RJ. The threat of biological terrorism: a public health and infection control reality. Infect Cont Hosp Epidemiol 2000;21(4):53-6.
- Skotarczak B, Rymaszewska A, Wodecka B, Sawczuk M. Molecular evidence of coinfection of *Borrelia burgdorferi* sensu lato, human granulocytic ehrlichiosis agent, and *Babesia microti* in ticks from northwestern Poland. J Parasitol 2003;89(1):194-6.
- Nauck EG. Lehrbuch der Tropenkrankheiten. Georg Thieme Verlag Stuttgart 8th ed 1998; p:264-93.
- Giroud PP, Yassemi H. A Propos De La Fievre Q Et De Sa Diffusion Danse Le Monde, Sa Constatation En Iran. Bulletin De La Societe De Pathologie Extique 1952;23-4.
- Saiki RK, Gelfand DH, Stoffel S, Scharf SJ, Higuchi R, Horn GT, et al. Primer-Directed Enzymatic Amplification of DNA with a Thermostable DNA Polymerase. Science 1988 Jan 29;239(4839):487-91.

9. Literak I, Rehacek J. Q-fever-occurrence and significance of this disease in the Czech Republic and Slovak Republic. *Vet Med (Praha)* 1996;41(2):45-63.
10. Hirai K, To H. Advances in the understanding of *Coxiella burnetii* infection in Japan. *J Vet Med Sci* 1998;60(7):781-90.
11. Kato K, Arashima Y, Asai S, Furuya Y, Yoshida Y, Murakami M, et al. Detection of *Coxiella burnetii* specific DNA in blood samples from Japanese patients with chronic nonspecific symptoms by nested polymerase chain reaction. *FEMS Immunol Med Microbiol* 1999;21(2):139-44.
12. Guo HR, Gilmore R, Waag DM, Shireley L, Freund E. Prevalence of *Coxiella burnetii* infections among North Dakota sheep producers. *J Occup Environ Med* 1998;40(11):999-1006.
13. Bashiribod H, Sixl W, Stuenzner D. Q-Fieber in Iran. Abstracts of II Internationales Arbeitskolloquium Ueber Naturherde von Infektionskrankheiten in Zentraleuropa. Graz-Austria, 25.02-28.02. 1976:323-6.
14. Chen M, Fan MY, X GM. Detection of north-Asia tick-borne spotted fever in ticks and rodents along the Heilongjiang river-side by restriction fragment length polymorphism of PCR products. *Zhonghua Liu Xing Bing Xue Za Zhi* 1997;18(1):5-7.
15. Ibrahim IN. Serosurvey of wild rodents for Rickettsioses (spotted fever, murine typhus and Q fever) in Java Island, Indonesia. *Eur J Epidemiol* 1999;15(1):89-93.
16. To H, Htwe KK, Kako N, Kim HJ, Yamaguchi T, Fukushi H. Prevalence of *Coxiella burnetii* infection in dairy cattle with reproductive disorders. *J Vet Med Sci* 2000;60(7):859-861.
17. Rehacek J, Literak I. Coxiellosis among domestic animals in the Czech Republic. *Vet Med Praha* 2001;46(4):54-9.
18. Manilla G, Frusteri L, Maroli M, Khouri C. A study on the prevalence of *Coxiella burnetii* among wild mammals in Italy. *Ann Ist Super Sanita* 2002;38(1):286-95.
19. Bacellar F, Nuncio MS, Rehacek J, Filipe AR. Rickettsiae and rickettsioses in Portugal. *Eur J Epidemiol* 1991;7(3):291-3.
20. Rehacek J, Krauss H, Kocanova E, Kovacova E, Hinterberger G, Hanak P, Tuma V. Studies of the prevalence of *Coxiella burnetii*, the agent of Q fever, in the foothills of the southern Bavarian Forest, Germany. *Zentralbl Bakteriol* 1993;278(1):132-8.
21. Kruszewska D, Tylewska -Wierzbanowska S. Unknown species of Rickettsia isolated from *Ixodes ricinus* tick in Walcz. *Rocz Akad Med Bialmyst* 1996; 41(1):129-35.
22. McDiarmid L, Petney T, Dixon B, Andrews R. Range expansion of the tick *Amblyomma triguttatum triguttatum*, an australian vector of Q fever. *Int J Parasitol* 2000;30(7):791-3.
23. Spyridaki I, Psaroulaki A, Loukaides F, Antoniou M, Hadjichristodolou C, Tsellentis Y. Isolation of *Coxiella burnetii* by a centrifugation Shell-vial assay from ticks collected in Cyprus: detection by nested PCR and by PCR-restriction fragment length polymorphism analysis. *Am J Trop Med Hyg* 2003;66(1):86-90.
24. Lee JH, Park HS, Jang WJ, Koh SE, Park TK, Kang SS, Kim BJ. Identification of *Coxiella* sp. detected from *Haemaphysalis longicornis* tick in Korea. *Microbiol Immunol* 2004;48(2):125-30.